

AVVISO ESPLORATIVO

Avviso per verifica unicità del fornitore per affidamento ex art.63 c.2 lett b) p.3 D.Lgs. 50/2016 di affidamento della fornitura di un sistema di analisi qualitativa e quantitativa di acidi nucleici basato su tecnologia microfluidica, e del relativo materiale di consumo necessario per le esigenze di ricerca del costituendo laboratorio di Genetica per le Malattie Neurodegenerative nell'ambito del Progetto per la "Costituzione del TECNOPOLO per la Medicina di Precisione.

**CUP B84I18000540002
CIG Z7830184C0**

In attuazione della Determina n.10 del 18.01.2021, il Dipartimento di Scienze Mediche di Base, Neuroscienze ed Organi di Senso dell'Università degli Studi di Bari - Aldo Moro (di seguito DSMBNOS) intende avviare una procedura negoziata ai sensi dell'art. 63 c.2 lett b) p.3) del D.Lgs 50/2016 per l'affidamento della fornitura concernente l'acquisto di un sistema di analisi qualitativa e quantitativa di acidi nucleici basato su tecnologia microfluidica, e del relativo materiale di consumo necessario per le esigenze di ricerca del costituendo laboratorio di Genetica per le Malattie Neurodegenerative nell'ambito del Progetto per la "Costituzione del TECNOPOLO per la Medicina di Precisione", alle condizioni meglio specificate di seguito.

Si specifica che il DSMBNOS, in seguito ad approfondite indagini ed analisi di mercato, ha individuato la **Società Agilent Technologies Italia S.p.A** Via P. Gobetti, 2 C – 20063 Cernusco sul Naviglio (MI) Italia P.IVA 12785290151, come unico fornitore del Sistema TapeStation Agilent 4150 con caratteristiche di esclusività, unicità ed infungibilità in relazione alle applicazioni previste, ai sensi e per gli effetti **ex art.63 c.2 lett b) p.3 D.Lgs. 50/2016**.

In dettaglio le caratteristiche della fornitura:

Sistema di analisi qualitativa e quantitativa di acidi nucleici basato su tecnologia microfluidica.

Requisiti minimi:

1. Elettroforesi di acidi nucleici ad alta risoluzione su chip a tecnologia fluidica o elettroforesi capillare
2. Capacità di analizzare fino a 16 campioni senza necessità di intervento da parte dell'operatore, con prelievo automatico del campione
3. Rilevamento del segnale derivante da fluorescenza emessa da sostanze (marcatori) intercalanti degli acidi nucleici
4. Capacità di analisi qualitativa e quantitativa su RNA, frammenti di DNA e libraries di DNA per applicazioni di Next Generation Sequencing validati in letteratura scientifica

5. Capacità di analizzare DNA genomico fino a 60Kbp e cell free DNA
6. Capacità di raggiungere un limite di rilevazione fino a 5 pg/microlitro per frammenti di DNA
7. Flessibilità nel numero di campioni da analizzare, anche solo 1 campione per corsa con possibilità di riutilizzo di Chip parzialmente utilizzati consentendo di mantenere il costo per campione costante indipendentemente dal numero di campioni/corsa
8. Capacità di raggiungere una riproducibilità (precisione) nella misura della lunghezza dei frammenti di DNA pari al 5% o migliore
9. Capacità di calcolare il coefficiente di integrità DIN (DNA integrity Number) per i campioni di DNA genomico e di fornire uno score di qualità del campione di DNA indipendentemente dal metodo di estrazione utilizzato e dalla sua concentrazione
10. Volume massimo di campione necessario per singola analisi/corsa 1-2ul
11. Capacità di analizzare frammenti di RNA di lunghezza compresa tra 100 e 6000 nt, con un limite di rilevamento di 5ng/ul
12. Tempi di corsa inferiori ai 25 minuti per analisi di 15 campioni di DNA e inferiore ai 30 minuti per analisi di 16 campioni di RNA
13. Ogni chip di corsa deve essere identificato da un barcode univoco letto dalla macchina per permettere di tenere traccia della corsia utilizzata in ciascun dispositivo, consentendo la tracciabilità dei risultati e del chip utilizzato per la corsa (lotto, scadenza, tipologia di CHIP)
14. Il software in dotazione deve consentire quanto segue:
 - a. analisi sia qualitativa (lunghezza) che quantitativa degli acidi nucleici analizzati;
 - b. visualizzazione dei campioni elettroforetici simile a quella ottenibile tramite tradizionali elettroforesi su gel;
 - c. elaborazione di indici di qualità per l'integrità di DNA genomico e di RNA totale
15. Garanzia full risk sullo strumento per una durata complessiva di anni 5 inclusiva di 1 visita di manutenzione preventiva annuale
16. Starter kit di reattivi per analisi di librerie per applicazioni di NGS sequencing per un

minimo di 112 campioni. Nel dettaglio:

- a. Puntali per caricamento (10 cf) per Bioanalizzatore
- b. n. 1 Strip Tubes per Bioanalizzatore
- c. Optical Strip Caps (120 count) per Bioanalizzatore.

Obiettivo del presente avviso è pertanto quello di verificare se vi siano altri operatori economici, oltre a quello individuato da questo Ente, che possano effettuare la fornitura in oggetto, come sopra evidenziato.

Si invitano pertanto gli operatori economici interessati a manifestare a questo Ente l'interesse alla partecipazione alla procedura per l'affidamento del contratto di fornitura.

La manifestazione di interesse, da redigere utilizzando l'Allegato n.1 al presente Avviso, dovrà pervenire entro e non oltre **le ore 18,00 del giorno 02.02.2021** al seguente indirizzo PEC segreteria@pec.uniba.it con oggetto **"Avviso esplorativo CUP B84118000540002, CIG Z7830184C0 per verifica unicità (produzione e distribuzione) del fornitore"**.

Le richieste pervenute oltre il suddetto termine non verranno tenute in considerazione.

Nel caso in cui venga confermata la circostanza secondo cui la società sopra indicata costituisca l'unico operatore in grado di svolgere il servizio descritto, questo Ente intende altresì, manifestare l'intenzione di concludere un contratto, previa negoziazione delle condizioni contrattuali, ai sensi dell'art. 63 comma 2 lett. b) punto 3), con l'operatore economico indicato.

Ai sensi dell'art. 13 del d.lgs. 196/2003 e s.m.i., si informa che i dati raccolti saranno utilizzati esclusivamente per le finalità connesse alla gestione della procedura in oggetto, anche con l'ausilio di mezzi informatici. L'invio della manifestazione di interesse presuppone l'esplicita autorizzazione al trattamento dei dati e la piena accettazione delle disposizioni del presente avviso.

Responsabile del procedimento: Dott.ssa Valeria Petruzzelli, Coordinatore Amministrativo del Dipartimento di SMBNOS.

Il presente avviso è pubblicato: sul profilo del committente <https://www.uniba.it/ricerca/dipartimenti/smbnos/bandi/>.

La stazione appaltante si riserva fin d'ora la libera facoltà di sospendere modificare o annullare la presente procedura e/o di non dare seguito alla successiva procedura negoziata.

IL DIRETTORE
prof. Alessandro Bertolino